



บันทึกข้อความ

ส่วนงาน คณะวิทยาศาสตร์ หลักสูตรวิทยาศาสตร์บัณฑิต สาขาวิชาเทคโนโลยีชีวภาพ โทร. ๓๘๗๐-๒

ที่ ศธ ๐๕๒๓.๔.๔ / ๕๒๗

วันที่ ๒๘ สิงหาคม ๒๕๖๑

เรื่อง ขอส่งรายงานสรุปเนื้อหาและการนำไปใช้ประโยชน์จากการเข้าร่วมโครงการอบรม

เรียน คณบดีคณะวิทยาศาสตร์

ตามหนังสือ ที่ ศธ ๐๕๒๓.๔.๔/๓๐๑ ลงวันที่ ๑ มิถุนายน ๒๕๖๑ ได้อนุญาตให้ข้าพเจ้า นางสาว ศรีกาญจนา คล้ายเรือง พนักงานมหาวิทยาลัย ตำแหน่ง ผู้ช่วยศาสตราจารย์ เข้าร่วมโครงการอบรม เรื่อง “Basic Bioinformatics for Microbiologists” เมื่อวันที่ ๑๓ - ๑๔ มิถุนายน ๒๕๖๑ ณ ห้องปฏิบัติการ คอมพิวเตอร์ ชั้น M อาคารราชนครินทร์ คณะแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่ นั้น

บัดนี้ การเข้าร่วมโครงการอบรมดังกล่าว ได้เสร็จสิ้นเป็นที่เรียบร้อยแล้ว ข้าพเจ้าจึงขอส่งรายงาน สรุปเนื้อหา และการนำไปใช้ประโยชน์จากการเข้าร่วมอบรมฯ ให้กับทางคณะวิทยาศาสตร์ เพื่อนำไปใช้ประโยชน์ ตามเอกสารที่แนบมาพร้อมนี้

จึงเรียนมาเพื่อโปรดพิจารณา

(นางสาวศรีกาญจนา คล้ายเรือง)

พนักงานมหาวิทยาลัย ตำแหน่ง ผู้ช่วยศาสตราจารย์

(ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.ไพโรจน์ วงศ์พุทธิสิน)

ประธานอาจารย์ผู้รับผิดชอบหลักสูตรวิทยาศาสตร์บัณฑิต
สาขาวิชาเทคโนโลยีชีวภาพ

รายงานสรุปเนื้อหาและการนำไปใช้ประโยชน์จากการเข้าอบรม สัมมนา หรือประชุมวิชาการ

ข้าพเจ้า นางสาวศรียาญจนา คล้ายเรือง ตำแหน่ง ผู้ช่วยศาสตราจารย์ สังกัด คณะวิทยาศาสตร์ ขอ
นำเสนอรายงานสรุปเนื้อหาและการนำไปใช้ประโยชน์จากการเข้าประชุม ในงานประชุม โครงการอบรม เรื่อง
“Basic Bioinformatics for Microbiologists” เมื่อวันที่ 13 มิถุนายน – 14 มิถุนายน พ.ศ. 2561 ณ ห้องปฏิบัติการ
คอมพิวเตอร์ ชั้น M อาคารราชนครินทร์ คณะแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่ ตามหนังสือขออนุญาต
เดินทางไปราชการ เลขที่ ศธ ๐๕๒๓.๔.๔./๓๐๑ ลงวันที่ ๑ เดือน มิถุนายน พ.ศ. ๒๕๖๑ จึงขอนำเสนอสรุป
เนื้อหาและการนำไปใช้ประโยชน์ของ การอบรมดังต่อไปนี้

สรุปเนื้อหา

จากการเข้าร่วมประชุม ในโครงการอบรม เรื่อง “Basic Bioinformatics for Microbiologists” ทำให้มี
ความรู้ความเข้าใจและได้ฝึกปฏิบัติจริงในการวิเคราะห์ แปลผล และประยุกต์ใช้ข้อมูลทางชีวสารสนเทศ
(bioinformatics) ซึ่งมีความจำเป็นในงานวิจัยทางจุลชีววิทยาในปัจจุบัน โดยวิทยากรผู้บรรยายคือ Dr.Apichai
Tuanyok นักวิจัยไทยที่ดำรงตำแหน่ง Assistant Professor ณ Department of Infectious Diseases & Pathology,
College of Veterinary Medicine, University of Florida โดยได้บรรยาย และแนะนำในการฝึกปฏิบัติในหัวข้อ
ต่อไปนี้

1. หลักการ และโปรแกรมพื้นฐานในการศึกษาจีโนมของแบคทีเรีย ได้แก่ Genome Viewer, BioEdit Alignment Editor
2. การเปรียบเทียบจีโนม โดยใช้ Artemis Comparison Tool (ACT)
3. จีโนมของแบคทีเรียก่อโรคที่สำคัญได้ *Streptococcus suis* และ *Burkholderia pseudomallei*
4. การใช้ Online Bioinformatic Software Tools ได้แก่ PATRIC (Pathosystem Resource Integration Center) ทั้งในส่วนของการ Genome Assembly และ Genome Annotation

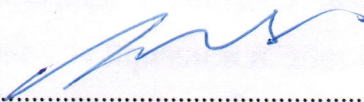
การนำไปใช้ประโยชน์

1. สามารถนำไปใช้ในวิชา ชว 430 สรีรวิทยาของแบคทีเรีย เพื่อเป็นข้อมูลเพิ่มเติมในหัวข้อ การจำแนกชนิด
ของแบคทีเรียโดยเทคนิคทางอนุชีววิทยา (Identification of bacteria by molecular technique)
2. สามารถนำไปใช้ในวิชา วท 498 การเรียนรู้อิสระ ในการทำวิจัยของนักศึกษาสาขาเทคโนโลยีชีวภาพ

.....
(นางสาวศรียาญจนา คล้ายเรือง)
...../...../.....

ความคิดเห็นของผู้บังคับบัญชาชั้นต้น (ประธานหลักสูตร/เลขานุการคณะ/หัวหน้างาน)

.....
.....
ผศ.ไพโรจน์

.....
.....


(ผศ.ดร.ไพโรจน์ วงศ์พุทธิสิน)

...../...../.....

ความคิดเห็นของคณบดีคณะวิทยาศาสตร์หรือผู้แทน

.....
.....

.....
(.....)
...../...../.....